

**162 - IDENTIFICAÇÃO, CLONAGEM E CARACTERIZAÇÃO DE GENES QUE CODIFICAM PROTEÍNAS DE *LEPTOSPIRA* COM POTENCIAL PARA USO EM TESTES DIAGNÓSTICOS E VACINA**

**Croda, J.H.R.<sup>1</sup>, Siqueira, I.C.<sup>1</sup>, Lima, J.B.T.<sup>1</sup>, Souza, V.C.<sup>1</sup>, Reis, M.G.<sup>1</sup>, Ko, A.I.<sup>1,2</sup>, Riley, L.<sup>3</sup>**

<sup>1</sup>Centro de pesquisas Gonçalo Moniz, Fiocruz, Salvador, Brasil, <sup>2</sup>Cornell University Medical College, New York, NY, <sup>3</sup>School of Public Health, University of California at Berkeley, Los Angeles, California.

**Introdução:** A leptospirose é um problema de saúde pública e o desenvolvimento de métodos diagnósticos mais sensíveis e uma vacina eficaz diminuiriam sua morbi-mortalidade.

**Objetivo :** Identificar, caracterizar e clonar antígenos de *Leptospira* expressos na infecção, com potencial para utilização em testes diagnósticos e vacina

**Materiais e métodos :** Clones de leptospira foram identificados triando a biblioteca genômica (LAMBDA ZAP II) com soro de pacientes com leptospirose. A biblioteca genômica foi construída digerindo parcialmente o DNA de *Leptospira interrogans*, sorogrupo copenhageni, com a enzima Tsp509a e religado no sítio EcoRI do fago. Os clones identificados foram sequenciados, expressos e testados no immunoblot.

**Resultados:** Foram identificados 28 clones, 15 dos quais eram proteínas de choque térmico (10 GroEL e 5 DnaK). Os outros clones identificados codificavam proteínas hipoteticamente de superfície (LK90), lipoproteínas (LipL31) e outras Orfs ainda sem caracterização.

**Conclusão :** A triagem da biblioteca genômica com soros dos pacientes mostrou-se eficaz na identificação de antígenos imunodominantes de *Leptospira* que poderão ser usados no desenvolvimento de testes sorodiagnósticos e vacina.